This Page Is Inserted by IFW Operations and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning documents will not correct images, please do not report the images to the Image Problem Mailbox.

THIS PAGE BLANK (USPTO)

PCT

ORGANISATION MONDIALE DE LA PROPRIETE INTELLECTUELLE Bureau international



DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIEE EN VERTU DU TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS (PCT)

(51) Classification internationale des brevets ⁵:
A61K 39/12, 39/285 // C12N 15/37
C12N 15/86

A1

(11) Numéro de publication internationale:

WO 90/10459

(43) Date de publication internationale: 20 septembre 1990 (20.09.90)

(21) Numéro de la demande internationale: PCT/FR90/00151

(22) Date de dépôt international:

6 mars 1990 (06.03.90)

(30) Données relatives à la priorité: 89/02897 6 mar

6 mars 1989 (06.03.89)

FR

(71) Déposant (pour tous les Etats désignés sauf US): TRANS-GENE S.A. [FR/FR]; 16, rue Henri-Régnault, F-92400 Courbevoie (FR).

(72) Inventeurs: et

(75) Inventeurs/Déposants (US seulement): MENEGUZZI, Guerrino [FR/FR]; Villa Bagatelle, Avenue Ste-Colette, F-06100 Nice (FR). LATHE, Richard [FR/FR]; 82, rue des Jésuites, F-67100 Strasbourg (FR). KIENY Marie-Paule [FR/FR]; 11, rue de Gascogne, F-67100 Strasbourg (FR).

(74) Mandataire: WARCOIN, Jacques; Cabinet Regimbeau, 26, avenue Kléber, F-75116 Paris (FR).

(81) Etats désignés: AT (brevet européen), BE (brevet européen), CA, CH (brevet européen), DE (brevet européen), DK (brevet européen), ES (brevet européen), FR (brevet européen), GB (brevet européen), IT (brevet européen), JP, LU (brevet européen), NL (brevet européen), SE (brevet européen), US.

Publiée

Avec rapport de recherche internationale. Avant l'expiration du délai prévu pour la modification des revendications, sera republiée si de telles modifications sont reçues.

(54) Title: PHARMACEUTICAL COMPOSITION USEFUL IN THE PREVENTION OR TREATMENT OF PAPILLOMA-VIRUS-INDUCED TUMOURS

(54) Titre: COMPOSITION PHARMACEUTIQUE, UTILE A TITRE PREVENTIF OU CURATIF CONTRE LES TU-MEURS INDUITES PAR LES PAPILLOMAVIRUS

(57) Abstract

The invention concerns the use in a pharmaceutical composition for the prevention and treatment of papillomavirus-induced tumours, in particular the HPV-16 virus, of a recombinant poxvirus comprising an heterologous DNA sequence coding at least for the essential region of a non-structural papillomavirus protein as well as the regulation elements ensuring its expression in the higher cells. More particularly, it concerns the E5, E6, E7 proteins of the HPV-16 virus.

(57) Abrégé

L'invention concerne l'utilisation, dans une composition pharmaceutique destinée à la prévention et au traitement des tumeurs induites par les papillomavirus, en particulier le virus HPV-16, d'un poxvirus recombinant comportant une séquence d'ADN hétérologue codant au moins pour la région essentielle d'une protéine non structurale d'un papillomavirus ainsi que les éléments de régulation assurant son expression dans les cellules supérieures. Plus particulièrement, il s'agit des protéines E5, E6, E7 du virus HPV-16.

FOR THE PURPOSES OF INFORMATION ONLY

Codes used to identify States party to the PCT on the front pages of pamphlets publishing international applications under the PCT.

ΤA	Austria	ES	Spain	MG	Madagascar
	***************************************	គ	Finland	ML	Mali
ΑÜ	Vana ere		France	MR	Mauritania
BB	Barbados	FR		MW	Malawi
BE	Belgium	GA	Gabon	****	· ·
BF	Burkina Fasso	GB	United Kingdom	NL	Netherlands
BG	Bulgaria	HU	Hungary	NO	Norway
	_	ır	Italy	RO	Romania
BJ	Benin		•	SD	Sudan
BR	Brazil	JP	Japan		
CA	Canada	KP	Democratic People's Republic	SE	Sweden
CF	Central African Republic		of Korea	SN	Senegal
CG	Conso	KR	Republic of Korea	SU	Soviet Union
		ü	Liechtenstein	TD	Chad
СH	Switzerland	-		TG	Togo
CM	Cameroon	LK	Sri Lanka		
DE	Germany, Federal Republic of	w	Luxembourg ·	us	United States of America
DK	Denmark	MC	Monaco		

COMPOSITION PHARMACEUTIQUE, UTILE A TITRE PREVENTIF OU CURATIF CONTRE LES TUMEURS INDUITES PAR LES PAPILLOMAVIRUS

La présente invention concerne de nouvelles compositions vaccinales utiles contre les tumeurs induites par les papillomavirus, et plus particulièrement contre les types HPV-16, HPV-18, HPV-31, HPV-33, HPV-35,

Les papillomavirus représentent un groupe de virus à ADN. Ils possèdent une coque protéique et un génome d'ADN circulaire d'environ 7900 paires de bases. Un certain nombre de types de papillomavirus, bovins (BPV), humains (HPV) ont été identifiés, et les génomes de certains ont été complètement séquencés (1).

Les travaux de recherche fondamentale qui ont été menés sur ces virus ont ainsi conduit à distinguer dans leur génome une région précoce et une région tardive, par analogie avec le génome du virus du polyome et du SV40.

- La région tardive contient deux cadres de lecture Ll et L2 qui codent pour les composants majeurs de la capside. La région précoce contient au moins les cadres de lecture E1, E2, E4, E5, E6, E7 et E8. Les protéines codées par ces cadres de lecture possèdent des fonctions
- différentes. Trois de ces protéines sont impliquées dans les processus de transformation oncogénique des cellules infectées. La protéine E5 de BPV-1 qui possède un important pouvoir de transformation et qui peut in vitro transformer des cellules de façon indépendante (2) est
- codée par la partie 3' de la région précoce. Les protéines E6 de BPV-l et E7 de HPV-l6 sont codées par la partie 5' de la région précoce et sont impliquées dans l'induction et le maintien de la transformation oncogène. Ces deux protéines semblent dériver d'un gêne ancestral
- commun par duplications successives d'un peptide de 33 acides aminés (3). Le pouvoir transformant de E7 a été démontré pour HPV-16 et 18 (4, 5, 6). Parmi les autres protéines précoces, El et E2 possèdent un rôle dans la

replication et/ou l'expression du virus alors qu'il n'a pas été mis en évidence de fonction à E4 et E8.

Chez l'homme, les HPV sont associés à des

pathologies allant de l'infection bénigne de la peau, aux
verrues et aux tumeurs malignes. Ces virus sont
hautement spécifiques des tissus cibles, notamment les
épithéliums de l'épiderme des voies génitales, orales et
respiratoires (7). Les données épidémiologiques suggèrent
fortement le rôle de certaines souches d'HPV dans le
cancer du col de l'utérus et des voies basses (tumeur le
plus fréquemment fatal chez la femme). L'ADN de HPV-16 et
HPV-18 est retrouvée dans la plupart des biopsies
provenant de cellules cancéreuses génitales, plus
15 rarement on détecte HPV-31, HPV-33, HPV-35, HPV-39 et
HPV-45.

Les pathologies associées aux virus HPV posent un problème thérapeutique du fait de leur nature persistante 20 et récurrente. De nombreuses approches ont déjà été utilisées dans le traitement de ces maladies : la chirurgie, la chimiothérapie, les agents antiviraux et l'immunothérapie (8).

En particulier, la publication européenne de brevet EP-A-0133123 décrit une approche de vaccination contre une infection par les papillomavirus qui consiste à préparer par génie génétique des protéines de la capside du virus, c'est-à-dire des protéines de structure 30 correspondant donc à la région tardive du virus, et à les utiliser comme agents immunogènes. Dans ce document, les moyens décrits visent à une protection contre une infection par les virus eux-mêmes, et donc à priori contre toutes les formes d'infections susceptibles de se 35 développer.

La présente invention vise plus précisément l'obtention de vaccins actifs, à titre préventif ou curatif contre les tumeurs malignes résultant d'une infection préétablie par HPV.

5

La présente invention repose sur l'observation que la formation des tumeurs induites par les papillomavirus est due à l'expression des gênes précoces des virus.

10

L'invention a donc pour objet des compositions pharmaceutiques caractérisées en ce qu'elles contiennent à titre de principe actif préventif ou curatif au moins un poxvirus recombinant qui comporte une séquence d'ADN hétérologue codant au moins pour la région essentielle d'une protéine précoce d'un papillomavirus ainsi que les éléments de régulation assurant son expression dans les cellules supérieures.

Par région essentielle de ladite protéine, on entend désigner la partie de la séquence protéique capable d'induire une immunité antitumorale.

Les compositions vaccinales selon l'invention

25 peuvent être utilisées à des fins variées. Elles peuvent être utilisées à titre préventif, pour empêcher l'apparition de tumeurs malignes, soit avant toute infection par le virus, soit encore après une infection ayant causé des troubles bénins, par crainte de voir d'autres tissus atteints et se transformer en tissus cancéreux. Elles peuvent potentiellement être aussi utilisées à titre curatif, pour faire disparaître une tumeur déjà installée, ou en complément ou substitution à une ablation. Ces utilisations peuvent concerner l'homme,

35 mais aussi l'animal, en particulier les bovins pour la prévention des infections par le virus BPV. On pourra

utiliser, le cas échéant le poxvirus recombinant avec un support pharmaceutiquement acceptable pour son inoculation à l'homme ou à l'animal.

Etant données les observations qui ont été faites, et rappelées plus haut sur la fréquence d'infection par HPV de type 16-18-31-33-35-39 et 45 dans les cas de cancer du col de l'utérus, l'invention concerne plus particulièrement des compositions

10 vaccinales utiles contre HPV-16, HPV-18, HPV31, HPV33, HPV-35, HPV-39 et HPV-45.

C'est pourquoi l'invention a pour objet une composition vaccinale telle que définie précédemment dans 15 laquelle le poxvirus comprend au moins une séquence d'ADN codant pour au moins une protéine non-structurale du virus HPV de type 16, 18, 31, 33, 35, 39 ou 45 et en particulier du virus HPV-16.

Comme rappelé précédemment, la structure des virus de la famille des papillomes, en particulier BPV-1 et HVP, est telle qu'il existe au moins 7 cadres de lectures susceptibles de correspondre à des fonctions protéiques bien spécifiques des mécanismes d'action du 25 virus et du maintien du génome viral. C'est pourquoi il peut être intéressant de préparer des compositions pharmaceutiques qui expriment dans l'organisme humain plusieurs protéines simultanément. Ceci peut être obtenu soit avec plusieurs poxvirus exprimant chacun une 30 protéine donnée, soit avec un poxvirus contenant plusieurs séquences d'ADN hétérologue correspondant aux protéines choisies.

Bien entendu, le poxvirus recombinant comportera 35 l'ensemble des éléments nécessaires à l'expression des protéines dans les cellules supérieures, c.à.d. généra-

lement un promoteur de la transcription du gêne et une région d'initiation de la traduction dans la cellule hôte; de préférence le promoteur sera le promoteur d'un gène du poxvirus utilisé.

5

Parmi tous les poxvirus envisageables, on choisit de préférence le virus de la vaccine, car il a déjà été établi que les antigènes exprimés par le virus de la vaccine recombinant sont correctement présentés à la surface des cellules infectées et permettent l'induction d'une réponse immunitaire de type cellulaire. Ces circonstances sont donc particulièrement favorables puisqu'il est connu que l'élimination des cellules tumorales implique l'immunité cellulaire.

15

10

Lorsque le poxvirus est le virus de la vaccine, on utilisera de préférence comme promoteur celui du gêne de la protéine 7,5 K du virus de la vaccine. L'ensemble promoteur-séquence codant sera inséré dans une région non 20 essentielle du virus; par exemple, dans le cas du virus de la vaccine, le gêne de la thymidine kinase (TK) ce qui permettra une sélection aisée des virus recombinants TK⁻.

Généralement, le virus vivant est inoculé à l'homme ou à l'animal. Toutefois, on peut aussi envisager d'injecter à l'homme ou à l'animal le virus recombinant tué, présentant à sa surface les protéines choisies, ou les protéines purifiées à partir de cultures cellulaires infectées par les virus de la vaccine recombinants.

30

Les compositions pharmaceutiques selon l'invention peuvent être préparées selon des procédés connus dans le domaine des vaccins, et les doses applicables pourront varier dans une large gamme. Elles 35 seront fonction notamment de l'état du patient et d'autres paramètres qui seront évalués par le praticien.

25

30

35

6

L'invention sera illustrée par les exemples ciaprès, qui décrivent d'une part des résultats de vaccination sur animaux auxquels on a injecté des cellules transformées par le virus du papillome bovin (BPV-1) et, d'autre part, des résultats de vaccination sur animaux auxquels on a injecté des cellules transformées par le virus du papillome humain (HPV-16). On décrit en particulier le clonage et le séquençage des ADN correspondant aux cadres de lecture aux protéines E5, E6, E7 de HPV-16 ainsi que les résultats de vaccination obtenus avec des virus recombinants exprimant ces protéines.

La description détaillée de l'invention sera 15 accompagnée par les figures l à 7 qui représentent :

- la figure l'représente le gel SDS-PAGE des immunoprécipités des produits des cadres de lecture El, E2, E5 et E6 de la région précoce du génome du papillomavirus bovin BPV-1.
- la figure 2 représente la période de latence du développement des tumeurs des animaux vaccinés avec les virus de la vaccine recombinants, exprimant les produits des cadres de lecture El, E2, E5, E6 ou E7 du papillomavirus bovin BPV-1 (VVbE1, VVbE2, VVbE5, VVbE6 et VVbE7), ou un virus de la vaccine recombinant témoin, VV-0 (n'exprimant pas une protéine de BPV-1) et éprouvés avec des cellules FR3T3 transformées par BPV-1 (FR3T3 BPV-1-6).
- la figure 3 représente la période de latence du développement des tumeurs chez des animaux vaccinés avec les virus de la vaccine recombinants exprimant les produits des cadres

de lecture E5, E6 et E7 du papillomavirus bovin BPV-1 (VVbE5, VVbE6, VVbE7) ou une association VVbE5-VVbE6 ou VVbE5-VVbE7 ou un virus de la vaccine recombinant témoin VV-0 (n'exprimant pas une protéine de BPV-1) et éprouvés avec des cellules FR3T3 transformées par BPV-1 (FR3T3-BPV-1-3).

- la figure 4 représente schématiquement la 10 structure du bactériophage M13 E7/E6 (HPV-16).
 - la figure 5 représente schématiquement la structure du bactériophage M13 E5 (HPV-16).
- 15 la figure 6 représente la séquence de l'ADN complémentaire du cadre de lecture E5 (HPV-16).
- la figure 7 représente le gel SDS-PAGE des immunoprécipités des produits des cadres de lecture E6 et E7 de la région précoce du génome du papillomarivus humain HPV-16.
- la figure 3 représente l'évolution de la taille des tumeurs chez des animaux vaccinés avec le virus de la vaccine recombinant exprimant le produit du cadre de lecture E6 du papillomavirus humain HPV-16 (VVhE6) et éprouvés avec des cellules primaires de rat transformées par HPV-16 et un oncogène ras.
- la figure 9 représente l'évolution de la taille des tumeurs chez des animaux vaccinés avec le virus de la vaccine recombinant exprimant le produit du cadre de lecture E7 du papillomavirus humain HPV-16 (VVhE7) et éprouvés avec des cellules primaires de rat transformées par HPV-16 et un oncogène ras.

FEUILLE DE REMPLACEMENT

20

8

Exemple l: Inhibition du développement des tumeurs induites par le virus du papillome bovin (BPV-1) par vaccination par des virus de la vaccine recombinants exprimant les protéines précoces de BPV-1.

a) Construction des virus de la vaccine exprimant les protéines précoces de BPV-1

Le plasmide pM69 (9) contient la région précoce du génome de BPV-l inséré en tant que fragment HindIII-BamHI dans les sites HindIII et BamHI du plasmide pML2 (9). Des sous-fragments contenant les cadres de lecture E1, E2, E5, E6 et E7 sont excisés par digestion avec des lenzymes de restriction (voir tableau I) et introduits dans les bactériophages M13TG130 ou M13TG131 (10) puis soumis à une mutagénèse localisée dirigée par oligonucléotide avant d'être transférés dans le plasmide pTG186 poly (11). Ces étapes sont récapitulées dans le tableau I.

Légende du tableau I :

- [a]: les nucléotides soulignés précisent les bases non apariées à la séquence parentale de BPV-1
 - [b]: le codon d'initiation de la traduction et le site de restriction utilisés dans le clonage sont soulignés.
- [c]: il n'a pas été possible d'introduire le fragment

 EcoRI BamHI du plasmide pM69 contenant le cadre de lecture E5 dans le bactériophage M13TG131 dans l'orientation désirée : les clones sont obtenus dans l'orientation inversée dans laquelle deux fragments de plasmides indépendants sont clonés ; la mutagénèse par oligonucléotide correspond donc à l'autre brin de l'ADN.

[k] : extrémité produite par digestion par une enzyme de restriction puis traitement avec le fragment Klenow de l'ADN polymérase I de E. coli avant le clonage ; : non appliquable.

5

Tableau I : Clonage et mutagénèse des sous-fragments du génome de BPV-l pour leur transfert dans les virus de la vaccine.

10				
15	8PV-1cadre de lecturefragment	• vecteur • site	Mutagénèse • séquence (5'-3') des oligonucléo- tides utilisés [a] • séquences au site d'initiation de la traduction [b]	Clonage • fragment • vecteur • site
20	El NruI-AvrII	M13TG130 BamHI[k]-XbaI	na (<u>TCGCGA</u> GCGTC <u>ATG</u> G)	BamHI-SstI pTG186poly BamHI-SstI
25	E2 EcoRI-SpeI	M13TG131 EcoRI-XbaI	GAGGAGGATCCTGAAGAGGA (<u>GGATCC</u> TGAAGAGG <u>ATG</u> G)	BamHI pTG186poly BamHI
30	ES EcoRI-BamHI	M13TG131 EcoRI-BamHI	AGATTTG <u>C</u> CATAGT <u>CG</u> ACCAGTCA[c]	SalI-BamHI pTG186poly SalI-BamHI
	E6 HpaI-SmaI	M13TG130 SmaI	CAGACCCCGG <u>ATCCA</u> ACATGGACCT (<u>GGATCCA</u> AC <u>ATG</u> G)	BamHI-XmaIII[k] pTG186poly BamHI-SmaI
35	E7 HpaI-SmaI	M13TG130 Smal	TGCTACGACT <u>CGA</u> GCA <u>A</u> ACATGGTTCA (CTCGAGCAAACATGG)	XhoI-EcoRI pTG186poly, SalI-EcoRI
			(OICOVOCUTUO)	DETT-FCOVT

La mutagénèse localisée dirigée par oligonucléotide permet d'introduire une séquence consensus de l'initiation de la traduction au niveau du codon d'initiation de manière à assurer l'expression correcte après transfert dans le virus de la vaccine. Dans chaque cas, l'oligonucléotide de synthèse introduit un site de restriction unique juste avant la séquence déterminant le début de la traduction.

Dans le cas du cadre de lecture de El, il n'est pas nécessaire de faire de mutagénèse localisée du fait de la présence d'un site de restriction dans le génome de BPV-l (site Nrul en position -ll par rapport à l'ATG initiateur et d'une séquence quasi consensus de la région d'initiation de la traduction (GCGTCATGG) : le nucléotide G en position -3 est presque aussi efficace que A dans l'initiation de la traduction.

cultivées à 37°C dans un milieu MEM (Gibco) supplémenté avec 10 % de sérum de veau foetal. Elles sont simultanément soumises à une infection par un virus de la vaccine thermosensible et à une transfection par les vecteurs d'expression/transfert portant les segments insérés de BPV-1 et par l'ADN du virus de la vaccine type sauvage. Après sélection, on isole selon les techniques courantes, des recombinants de la vaccine dans lesquels l'expression de la séquence insérée est sous le contrôle du promoteur 7.5 K du virus de la vaccine.

30

Les virus de la vaccine recombinants (VV) exprimant les protéines précoces de BPV-1 E1, E2, E5, E6 et E7 sont appelés respectivement VVbE1, VVbE2, VVbE5, VVbE6 et VVbE7.

b) Expression de El, E2, E5, E6 et E7 dans les cellules infectées par les virus recombinants

Des cellules BHK-21 sur milieu de Eagle modifié par Dulbecco MEM.BME (GIBCO) supplémenté avec 10 % de sérum de veau foetal (GIBCO) sont infectées avec l'un des six virus recombinants avec une multiplicité d'approximativement 20 unités formant plaque (ufp) par cellule.

10

Après une heure à 37°C, du milieu frais est ajouté et les cellules sont incubées pendant deux heures. Le milieu est retiré, les cellules lavées une fois. Du milieu MEM.BME sans méthionine et/ou cystéine et supplémenté avec 5 % de sérum de veau foetal dialysé est 15 alors ajouté. Le marquage est effectué avec 0.5-1 mCi/ml de L-méthionine-35S et/ou L-cystéine-35S (Amersham) pendant 3 heures à 37°C. Les cellules ainsi marquées sont rincées deux fois avec 20 mM Tris. HCl pH 7,2 ; 150 mM NaCl (tampon TS) contenant de l'aprotinine (1 UI/ml; Biosys, France), collectées par grattage et rincées par 2 centrifugations dans du tampon STE (20 mM Tris. HCl pH 7,2; 150 mM NaCl; 1 mM Na, EDTA; 1 % aprotinine). Les cellules sont lysées dans du tampon RIPA [50 mM Tris. HCl ; pH 7,4; 150 mM NaCl; 1 mM NA, EDTA; 1 % Triton X-100; 1 % NaDeoxycholate; 0,1 % SDS] ou fractionnées pour déterminer la localisation subcellulaire des protéines de BPV-1.

L'immunoprécipitation et le SDS-PAGE sont effectués suivant la procédure décrite par Davis (12). Des antisera polyclonaux de lapins, dressés contre les protéines de fusion bactériennes correspondant aux cadres de lecture El, E2, E5, E6 et E7 sont obtenus par la méthode classique connue de l'homme du métier, voir par exemple les références (13) et (14).

Les cellules infectées avec VVbEl produisent une protéine nucléaire de 69kD qui est spécifiquement reconnue par l'antisérum anti-El (fig. l, bande l, la bande 2 correspond à une immunprécipitation avec un sérum non immun). Les cellules infectées par VVbE2 contiennent 5 un niveau élevé d'un polypeptide de 48 kD présentant une réactivité croisée avec E2 et correspondant à la protéine de transactivation majeure codée par le cadre de lecture E2 de BPV-1 (fig. 1, bande 3 et contrôle, bande 4). Ce polypeptide est détecté dans toutes les sous-fractions 10 cellulaires examinées, conformément à ce qui a été décrit pour la protéine E2 de cellules transformées par BPV-1 (15). VVbE6 code pour une protéine de 15,5 kD spécifiquement précipitée par le sérum anti E6 (fig. l, bande 6 et contrôle bande 7) et localisée à plus de 15 50 % dans la fraction cytoplasmique comme pour la protéine E6 des cellules transformées par BPV-1 (16). Les cellules infectées par VVbE5 produisent un polypeptide de 7,5 kD associé aux membranes cellulaires (fig. 1, bande 7 et contrôle, bande 8), localisation caractéristique de la 20 protéine E5 de BPV-1 (17). Les expériences d'immunoprécipitation avec l'antisérum anti-E7 ne présentent pas de réactivité croisée. l'analyse des vecteurs d'expression révèle la présence du cadre de lecture de E7 dans une orientation correcte et 25 nous supposons que E7 est effectivement produite mais que pour une raison inconnue elle n'est pas précipitée par l'antisérum disponible.

30 c) Vaccination contre les cellules tumorales induites par BPV-1

Des groupes de rats femelles (Fischer) âgées de 4 semaines sont inoculées par voie intradermale ou 35 intrapéritonale avec les différents virus recombinants

(à une dose de 10⁸ ufp dans 100 μ1). Ils subissent une injection de rappel avec la même dose après 12 jours et sont soumis à une inoculation d'épreuve, entre le 16e et le 17e jour avec des cellules 3T3 de lignées syngéniques 5 de rats Fischer (FR3T3) transformées par BPV-l selon le protocole décrit dans les références (9, 18) et appelées FR3T3-BPV-1-6. Pour ceci, 2x10⁴ cellules sont injectées par voie sous-cutanée dans un volume de 200 μ1 de milieu MEM.BME sans sérum.

10

Les résultats sont représentés sur la figure 2 :

- tous les animaux contrôlés, vaccinés avec VV-0 développent des tumeurs après une période de latence de 43 jours en moyenne.
- les animaux vaccinés avec VVbEl ou VVbE2 ne présentent pas de modification dans le developpement des tumeurs.

20

15

- les animaux vaccinés avec VVbE5, VVbE6 et VVbE7 présentent un retard significatif de l'apparition des tumeurs. De plus dans quelques cas, il n'y a pas de développement de tumeurs (> 250 jours après l'épreuve), points représentés dans le cadre en haut de la figure.

25

Ces expériences sont répétées en effectuant l'inoculation d'épreuve avec des cellules de la lignée FR3T3 transformées par BPV-1 selon le protocole décrit dans les références (9, 18) et appelées FR3T3-BPV-1-3. VVbE1 et VVbE2 étant sans effet, seuls VVbE5, E6 et E7 sont testés et deux groupes de rats sont inoculés avec 2 virus recombinants simultanément, soit VVbE5 et VVbE7 soit VVbE5 et VVbE6 afin de mettre en évidence un éventuel effet cumulatif de ces antigènes. La figure 3

confirme l'effet bénéfique d'une vaccination par VVbE5 et VVbE7 (les points dans le cadre du haut de la figure correspond aux animaux qui ne développent pas de tumeur) alors que VVbE6 reste sans effet notable dans cette situation. De plus il n'apparaît pas d'effet cumulatif marqué lors de l'association VVbE5, VVbE7.

Exemple 2 : Clonage du génome du virus HPV-16.

Les cellules de la lignée CaSki (ATCC 1550)

contiennent le génome du virus HPV-16 intégré dans un
chromosome. A partir de 10 fioles de 75 cm³ de cellules
CaSki semi-confluences, l'ADN génomique total est purifié
de la façon suivante : les cellules sont récupérées par
grattage, centrifugées et lavées puis reprises dans 15 ml
de tampon TE [Tris 10 mM pH 7,5; EDTA 1 mM] + 0,5 % SDS.
Après traitement à la protéinase K (7,5 mg/15 ml) à 37°C
pendant 16 heures, l'ADN est stocké à 4°C. De cette
façon, l ml de solution contenant 0,6 mg d'ADN est
obtenu.

70 μg de cet ADN sont soumis à une digestion partielle par l'enzyme MboI (10 min.; 40 unités) puis déposés sur un gradient linéaire (20 % - 40 %) de sucrose. Après centrifugation (rotor SW28, 16 heures à 25.000 t, 20°C), des fractions de 500 μl sont collectées. Les fractions contenant de l'ADN de taille comprise entre 10 et 20 kb (fraction 23-26) sont réunies, dialysées contre du tampon TE, puis précipitées à l'éthanol. De cette façon, 5 μg d'ADN sont obtenus.

Afin de disposer d'un vecteur de clonage pour l'ADN décrit précédemment, l'ADN du bactériophage lambda EMBL 301 (19) est digéré par l'enzyme de restriction BamHI. Après extraction au phénol-chloroforme et précipitation à l'éthanol, l'ADN est resuspendu dans du tampon TE.

L'ADN génomique des cellules CaSki et l'ADN du bactériophage lambda sont ensuite ligués selon un protocole classique (l ug de vecteur, 2 µg d'ADN génomique). Après empaquetage de l'ADN grâce à une trousse commercialisée par Amersham, un total de 0,75 x 106 clones indépendants est obtenu. Ces bactériophages sont étalés avec des bactéries <u>E. coli</u> Q358 sur 18 boîtes de 14 cm de diamètre et sur milieu LBM afin d'être criblés avec des oligonucléotides synthétiques déduits de la séquence du virus HVP-16 [(EMBL) PA16].

Le criblage de l'ADN des bactériophages recombinants est effectué de façon classique pour l'homme de métier. Les oligonucléotides 1817 (séquence 5' 15 CATGCATGGAGATACACCTACATTG 3'; cadre de lecture E7 et 1818 (séquence 5' GTGGATAACAGCAGCCTCTGCGTTT 3': cadre de lecture E5) marqués radioactivement au 32P, sont mélangés et hybridés à l'ADN phagique (transféré sur des filtres de nitrocellulose) pendant 16 heures à 55°C dans un 20 tampon SSC concentré 6 fois. Les filtres sont ensuite lavés dans les mêmes conditions de stringence, 10 signaux positifs (1-10) ont été obtenus. La zone des boîtes de pétri correspondant à ces signaux est reprise dans l ml 25 de tampon LBM. Ces suspensions sont réétalées sur des boîtes de pétri Ø 10 cm (2-10 µl de suspension par boîte) en double et un criblage secondaire est effectué avec les oligonucléotides 1817 et 1818 séparément. Les signaux correspondant aux phages obtenus à partir des premiers 30 isolements 4 et 5 étant les plus intenses, ces deux clones sont choisis pour la suite des expériences.

Des minicultures de bactéries <u>E. coli</u> Q358 infectées avec le bactériophage, isolé à partir des 35 sous-clones 4-1, 4-2, 5-1 et 5-2 sont réalisées. L'ADN de

ces clones est purifié et soumis à digestion par l'enzyme de restriction PstI afin d'analyser les recombinants sélectionnés.

Après migration sur un gel d'agarose l %, les ADN ci-dessus sont transférés sur une membrane de nitrocellulose selon la techniqe de Southern. Ces membranes sont ensuite incubées avec les deux oligonucléotides 1817 et 1318 marqués au ³²P par action de la polynucléotide kinase comme précédemment. Après hybridation et lavage de la membrane, cette dernière est soumise à autoradiographie. Deux bandes correspondant à des ADN de tailles 1063 et 1772 pb respectivement sont révélées ainsi, indiquant que les clones 4-1, 4-2, 5-1 et 5-2 possèdent le génome du virus HPV-16.

Exemple 3 : Séquençage des ADN correspondant à E6, E7 et E5

Le bactériophage 5-1 est choisi pour les 20 expériences ultérieures. Afin de disposer de quantités importantes de l'ADN de ce clone une préparation d'ADN à partir de 500 ml de bactérie E. coli Q358 infectées est réalisée selon un protocole classique. 800 µg d'ADN sont ainsi obtenus. Après digestion par l'enzyme PstI, l'ADN 25 est soumis à l'électrophorèse sur gel d'agarose 1 % contenant du bromure d'éthidium et visualisé sur une lampe UV. Les bandes de gel correspondant aux tailles 1063 et 1772 pbs sont découpées et l'ADN est extrait en utilisant une trousse "Geneclean" (Biol01 Inc). Cet ADN 30 est ensuite ligué dans un bactériophage M13TG130 ouvert au site PstI et transformé dans des bactéries compétentes E. coli NM522.

L'ADN des bactériophages M13 recombinant est purifié à partir de minicultures (1,5 ml) et analysé par digestion avec des enzymes de restriction. Un clone contenant la bande HPV-16 1063 pb (M13 E5) et un clone contenant la bande HPV-16 1772 pb (M13 E7/E6) sont sélectionnés.

Afin de limiter le travail de séquençage et comme les ADN recherchés sont ceux correspondant aux cadres de lecture E5, E6 et E7, seules les régions des fragments de restriction PstI correspondant aux protéines E6 et E7 (M13 E7/E6) et E5 (M13 E5) sont séquencées, grâce à des pligonucléotides synthétiques de séquence

- 15 5' ATCTAACATATATTC 3' et 5' GTTGTTCCATACAAA 3' pour Ml3 E7/E6
 - 5' GICTGCCTATTAATAC 3' pour M13 E5.
- La figure 4 présente la structure du bactériophage M13

 20 E7/E6 et la figure 5 celle du bactériophage M13 E5. La séquence obtenue pour E7 révèle une homologie totale avec la séquence contenue dans les banques de données PPH16. Pour E6 on observe deux mutations : G à la place de A en position +46 et G à la place de T en position +264 par

 25 rapport à l'ATG initiateur de E6. Pour E5, on obtient la séquence représentée à la figure 6, qui diffère par quelques bases de la séquence contenue dans la banque de données.
- 30 Exemple 4: Clonage des fragments d'ADN portant E6, E7 et E5 dans le vecteur de transfert.

Avant d'intégrer les ADN codant pour ces 3 cadres de lecture dans des virus de la vaccine recombinants, il est nécessaire de les modifier afin de disposer de sites de restriction uniques en amont et en aval des gènes et

d'améliorer les séquences autour de l'ATG initiateur afin d'obtenir une bonne traduction et un niveau élevé de protéine synthétisée.

5 a) Cadre de lecture E6

Un site de restriction Sall et un site Sphl sont créés respectivement en amont et en aval de la séquence codant pour E6 grâce à deux oligonucléotides

10 synthétiques, en employant une technique de mutagénèse localisée dirigée par oligonucléotide (trousse Amersham). Ces deux mutations ponctuelles sont réalisées simultanément en utilisant les oligonucléotides suivants:

15

- 5' GTTAGTATAAAAGTCGACCCACCATGCACCAAAAGAG 3'
- 5' CATGCATGCAGATACACC 3'
- 20 Un nucléotide A en position -3 par rapport à l'ATG est introduit à la place d'un nucléotide T en même temps que le site Sal I.

digestion avec des enzymes de restriction et par séquençage. Un clone est retenu pour la suite désigné M13TG1181. Le fragment de restriction Sall-SphI est ensuite cloné dans le vecteur pTG186 poly (11) ouvert aux sites Sall et SphI (pTG2198). Ce vecteur permet le transfert de l'ADN dans le génome du virus de la vaccine.

b) Cadre de lecture E7

35 Un site de restriction PstI et un nucléotide A en position -3 sont introduits en amont de la séquence

codant pour la protéine E7 par mutagénèse localisée grâce à l'oligonucléotide suivant :

5' GTAGAGAAACCCTGCAGCCACCATGCATGGAG 3'

5

Plusieurs clones ont été obtenus. L'un d'entre eux qui contient un fragment de restriction PstI de 350 pb, est séquencé dans la zone correspondant à la mutation. La séquence correspond bien à la mutation attendue (M13TG1182). Le fragment de restriction PstI est ensuite inséré dans le plasmide pTG186 poly ouvert au site PstI (pTG2199).

c) Cadre de lecture E5

15

Un site de restriction PstI est introduit en amont de l'ATG initiateur du cadre de lecture E5 (position 3851 dans PPH16) par mutagénèse localisée grâce à l'oligonucléotide suivant :

20

5' GTCTACTGGATTTACTGCAGTATGACAAATCTTGAT 3'

Un site de restriction EcoRI est introduit en aval du codon stop grâce à l'oligonucléotide suivant :

25

5' GTATATGTACATAATGAATTCTTACATATAATTGTTG 3'

Ces deux mutations sont introduites simultanément (trousse Amersham). Le clone retenu pour la suite est désigné par M13TG 3151. Le fragment de restriction PstI-EcoRI est ensuite inséré dans le plasmide pTG186 poly ouvert aux sites PstI et EcoRI (pTG3180).

Exemple 5 : Construction des virus de la vaccine recombinants.

Les plasmides pTG2198, 2199 et 3180 sont utilisés pour transférer les cadres de lecture E6, E7 et E5 dans un virus de la vaccine (souche Copenhagen) comme décrit précédemment. Les virus recombinants où les séquences codantes sont sous le contrôle de promoteur 7,5 K de la vaccine sont appelés VVhE6, VVhE7 et VVhE5.

- Des cellules BHK-21 sur milieu MEM.BME supplémenté avec 10 % de serum de veau foetal sont infectées avec l'un des trois virus recombinants avec une multiplicité d'approximativement 20 ufp par cellule.
- Après incubation suivant le protocole décrit précédemment, les cellules sont récupérées, lysées et fractionnées afin de déterminer la localisation subcellulaire des protéines de HPV-16.
- L'expression des gênes E6 et E7 est vérifiée par immunoprécipitation des protéines (marquées à la cystéine 35) synthétisées.
- Les anticorps polyclonaux dressés contre les protéines de fusion bactériennes correspondant aux cadres de lecture de E6 et E7 sont obtenus par la méthode classique connue de l'homme du métier et décrite dans les références (20) et (21).
- Les cellules infectées par VVhE6 produisent une protéine cytoplasmique de 18 kD qui est spécifiquement reconnue par l'antisérum anti-E6 (fig. 7, bande 1, la bande 2 correspond à une immunoprécipitation avec un sérum non immun). Les cellules infectées par VVhE7 produisent aussi une protéine cytoplasmique de 19-20 kDa spécifiquement reconnue par l'antisérum anti-E7 (fig. 7,



bande 3, la bande 4 correspond à une immunoprécipitation avec un sérum non immun).

Pour E5, aucun antisérum n'étant disponible, i'intégration du bloc d'expression de E5 dans le virus de la vaccine est vérifiée par analyse de l'ADN selon la technique de Southern.

Exemple 6: Effet de la vaccination par VVhE6 et VVhE7

sur le développement des tumeurs induites
par HPV-16.

Des groupes de rats femelles (Fisher) agées de 4 semaines sont vaccinées par injection intradermale de 5.107 ufp (dans 100 µl) des différents virus recombinants. Ils sont soumis à une injection de rappel avec la même dose après 12 jours.

Entre le 16e et le 17e jour, ils sont éprouvés 20 avec une lignée obtenue par co-transfection dans des cellules primaires de rat : (lignée REO1).

- d'un plasmide comportant le génome de HPV-16 sous contrôle du LTR de rétrovirus de Moloney (22);
- 2) d'un plasmide codant pour un gêne de résistance à G418
 25 et pour EJ-RAS, qui ne transforme que des cellules de lignées établies ou exprimant un gêne immortalisant.

2 x 10⁴ cellules sont injectées dans un volume de 30 200 μl de tampon MEM.BME sans sérum par voie sous-cutanée.

D'après les figures 8 et 9, on fait les constatations suivantes :

- les animaux témoins, non vaccinés, développent des tumeurs détectables 10 jours après l'inoculation des cellules transformées (voir lignes tiretées).

5

- les animaux vaccinés avec VVhE6 ne développent pas de tumeur dans 2 cas sur 7 (> 100 jours). Lorsque des tumeurs apparaissent, dans 3 cas leur développement est ralenti de façon très significative et pour 2 animaux l'apparition des tumeurs est retardée (24 et 34 jours au lieu de 10 jours). Enfin, dans deux cas, le développement des tumeurs est identique à celui présenté par les animaux du lot témoin.

15

10

- les animaux vaccinés avec VVhE7 ne développent pas de tumeur dans 3 cas sur 7 (> 100 jours).

Dans les 4 autres cas, les tumeurs apparaissent dès le 10e jour, mais leur développement est significativement retardé.

20

vaccinations, les animaux qui dans les deux lots n'ont pas développé de tumeurs sont repris et éprouvés 80 jours après la première épreuve d'inoculation avec 10 fois la dose initiale, c'est-à-dire 2 x 10⁵ cellules. Dans de telles conditions d'inoculation, des animaux témoins développent des tumeurs après 4 jours.

- 30
- les animaux qui avaient été vaccinés par VVhE6 développent des tumeurs de façon identique aux animaux témoins.
- par contre, les animaux préalablement vaccinés avec VVhE7 même dans ces conditions ne développent pas de tumeurs (> 100 jours).

Ces résultats ainsi que les précédents mettent en avant le rôle important que jouent les antigènes E7 dans la protection contre le développement des tumeurs induites par HPV-16.

Afin de vérifier les résultats ci-dessus deux autres séries d'expériences sont réalisées avec d'autres lignées cellulaires. Des groupes de rats femelles agées de 4 semaines sont vaccinées par injection intradermale des virus recombinants comme décrit précédemment. Les rats vaccinés par les virus recombinants sont éprouvés avec 2.104 ou 105 cellules primaires (lignée RE31) de rat préparées selon le protocole décrit précédemment. Le nombre d'animaux ayant rejeté les tumeurs ou chez lesquels on observe un retard dans l'apparition de celles-ci 10 est donné dans la première partie du tableau II (Première épreuve). Dans ce tableau VV0 correspond à un virus de la vaccine recombinant témoin n'exprimant pas une protéine de HPV). Puis, des rats ayant rejeté une première fois les tumeurs sont à nouveau éprouvés mais en utilisant une concentration supérieure de cellules primaires (2.10⁵ au lieu de 2.10⁴ ou 10⁵). Le résultats obtenus sont présentés dans la seconde partie du tableau II (Deuxième épreuve).

15

5

TABLEAU II

Virus o recombinant	Rejet	Retard dans l'apparition de la tumeur	Total
Première épreu	ve par injection de 2	x10 ⁴ cellules de la lignéee RE31 par r	<u>at</u>
VVhE6	3/18	5/18	8/18
₅ VVhE7	3/17	5/17	9/17
VV0	0/17	0/17	0/17
Première épreu	ve par injection de 1	0 ⁵ cellules de la lignée RE31 par rat	
VVhE6	7/20	1/20	8/20
VVhE7	5/20	0/20	5/20
0 VV0	1/20	0/20	1/20
Deuxième épre	euve par injection de	2x10 ⁵ cellules de la lignée RE31 par i	at
VVhE6	2/4	0/4	2/4
VVhE7	3/4	1/4	4/4
VV0	0/5	0/5	0/5

Dans une autre série d'expériences, les lignées de cellules primaires de rats, servant à éprouver les rats vaccinés, sont co-transfectées par :

- 1) un plasmide comportant le génome de HPV-16 sous le contrôle de son propre promoteur,
- 2) un plasmide codant pour un gène de résistance à G418 et pour EJ-RAS, qui ne transforme que des cellules de lignées établies ou exprimant un gène immortalisant.

 On obtient ainsi la lignée RE604. Le tableau III présente les résultats obtenus dans ces conditions expérimentales.

TABLEAU III

-10

35

Epreuve par injection de 2x10⁴ cellules de la lignée RE604 par rat

15	Virus recombinant	Rejet	Retard dans l'apparition de la tumeur	Total
	VVhE6	0/30	6/30	6/30
20	VVhE7	7/40	10/40	17/40
20	VVhE6/VVhE7	0/10	2/10	2/10
	VV0	0/30	0/30	0/30

Les résultats de ces expériences mettent en avant le rôle important que jouent les antigènes E7 et E6 dans la protection contre le développement des tumeurs induites par HPV-16

Dans toutes les lignées cellulaires, l'expression de la protéine E7 est vérifiée par immunoprécipitation. L'action protectrice exercée par l'antigène E7 n'est donc pas dépendante de la lignée considérée.

Les souches suivantes ont été déposées le 24 février 1989 à la collection Nationale de Cultures de Microorganismes de l'Institut Pasteur (Paris) :

- E. coli pTG2198 sous le n° I-837.
- E. coli pTG2199 sous le n° I-838.
- E. coli pTG3180 sous le n° I-839.

REFERENCES

- (1) PFISTER, H. (1987) in : The Papovaviridae : The papillomaviruses (édition, Salzman, N.P. et Howley, P.M.) Plenum Press, New York, p. 1-38.
 - (2) SCHLEGEL, R. et al. (1986). SCIENCE 233, 464-467.
- (3) DANOS, O. et M. YANIV (1987). In. Cancer Cells <u>5</u>:

 Papillomaviruses, Cold Spring Harbor Laboratory,
 Cold Spring Harbor, N.Y.
 - (4) KANDA, T. et al. (1988). J. Virol. 62, 610-613.
- 15 (5) VOUSDEN, K. H. et al. (1988). Oncogene Res. 3, 1-9.
 - (6) BEDELL, M.A. et al. (1987). J. Virol. <u>61</u>, 3635 3640.
- 20 (7) Zur HAUSEN, H. et SCHNEIDER, A. (1987). in : The Papovaviridae : The papillomaviruses (edition, Salzman, N.P. et Howley, P.M.) Plenum Press, New York, p. 245-263.
- 25 (8) WECK, P.K. et WHISNANT, J.K. (1987) in : The papillomaviruses (edition, Sulzman, N.P. et Howley, P.M.) Plenum Press, New York, p. 393-402.
 - (9) SINETRUY, B. et al. (1982). EMBO J. 82, 621-628.
 - (10) KIENY, M.P. et al. (1983). Gene 26, 91-99.

+

Ç Ç

15

25

- (11) KIENY, P.P. et al. (1984). Nature 312, 163-166.
- (12) DAVIS G. et al: (1986). Basic methods in molecular biology (Elsevier).
- (13) ANDROPHY, E.J. et al. (1987) in : The Papovaviridae : The papillomaviruses (edition, Salzman, N.P. et Howley, P.M.) Plenum Press, New York, p. 79-85.
- 10 (14) SCHLEGEL, R. et WADE-GLASS, M. (1987) in : The papillomaviruses (edition, Salzman, N.P. et Howley, P.M.) Plenum Press, New York, p 87-91.
 - (15) SCHILLER et al. (1984). PNAS 81, 7880.
- (16) ANDROPHY, E.J. et al. (1986). Science 230, 442-445.
 - (17) BURCKHARDT, A. et al. (1987). EMBO J. 6, 2381-2385.
- 20 (18) GRISONI, M. et al. (1984). Virology 135, 406-416.
 - (19) LATHE, R. et al. (1987). GENE 57, 193-201.
 - (20) ANDROPHY, E.J. et al. (1987). EMBO J. 6, 989-992.
 - (21) SHOTKIN et WETTSTEIN (1986), PNAS 83, 1689-1694.
 - (22) STOREY, A. et al. (1988), EMBO J. 7, 1815-1820.

30

35

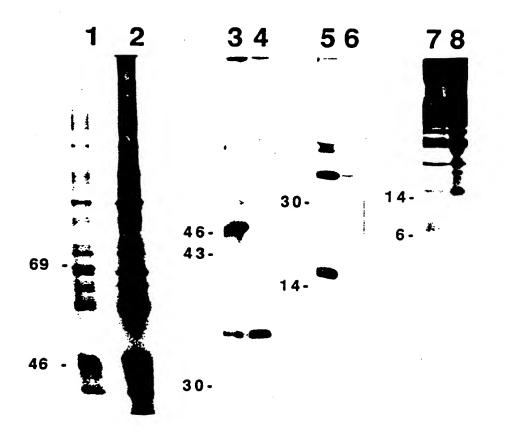
REVENDICATIONS

- 1. Composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle contient à titre de principe actif préventif ou curatif, au moins un poxvirus recombinant qui comporte une séquence d'ADN hétérologue codant au moins pour la région essentielle d'une protéine non structurale d'un papillomavirus, ainsi que les éléments de régulation assurant son expression dans les cellules supérieures.
- Composition selon la revendication l, caractérisée en ce que les éléments de régulation assurant l'expression de la séquence d'ADN hétérologue comportent un promoteur de la transcription du gène et une région d'initiation de la traduction dans les cellules hôtes.
- Composition selon la revendication 2, caractérisée en
 ce que la position -3 de la région d'initiation de la traduction comporte un A ou un G.
 - 4. Composition selon l'une des revendications l à 3 caractérisée en ce que le poxvirus est vivant ou tué.
 - 5. Composition selon l'une des revendications 1 à 3 caractérisée en ce que ladite séquence d'ADN code pour l'une au moins des protéines précoces du virus HPV-16.
 - 6. Composition selon l'une des revendications 1 à 5 caractérisée en ce que lesdites protéines précoces sont choisies parmi El, E2, E4, E5, E6 et E7.
 - 7. Composition selon la revendication 6 caractérisée en ce que lesdites protéines précoces sont choisies

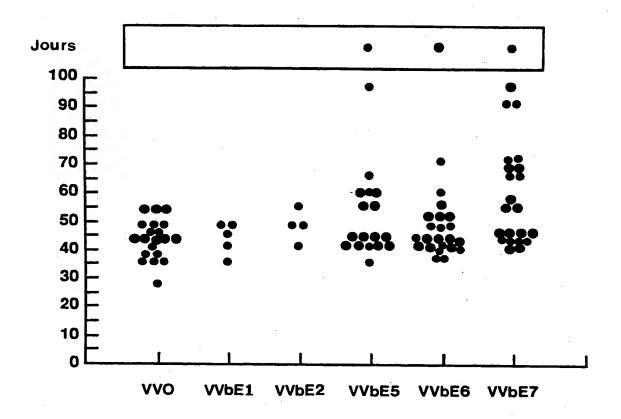
parmi E6, E7 et E5.

- 8. Composition selon la revendication 7 caractérisée en ce que ladite protéine précoce est la protéine E7.
- 5
 9. Composition selon la revendication 7 caractérisée en ce que ladite protéine précoce est la protéine E5 dont la séquence codante est représentée à la figure 6.
- 10 10. Composition selon l'une des revendications précédentes caractérisée en ce que les séquences d'ADN codant pour les protéines précoces d'un papillomavirus sont sous le contrôle d'un promoteur d'un gène du poxvirus utilisé.
- 15 ll. Composition selon la revendication 10 caractérisée en ce que le poxvirus est le virus de la vaccine.
- 12. Composition selon la revendication 10 caractérisée en ce que le promoteur est le promoteur du gêne de la protéine 7,5 K du virus de la vaccine.
- 13. Composition selon l'une des revendications 1 à 12 caractérisée en ce que les séquences d'ADN codant pour les protéines précoces d'un papillomavirus sont clonées à l'intérieur d'un région non essentielle du virus utilisé.
- 14. Composition selon la revendication 13 caractérisée en 30 ce que la région non essentielle est le gène TK.
 - 15. Composition selon l'une des revendications 1 à 14 caractérisée en ce que elle comporte un support pharmaceutiquement acceptable permettant son administration par injection à l'homme ou à l'animal.

FIG. 1

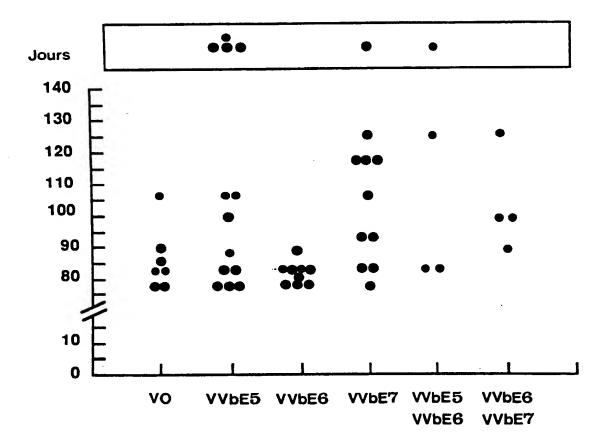


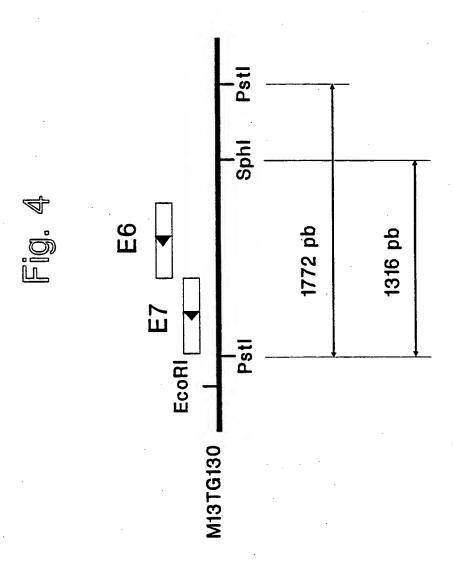
F1G. 2

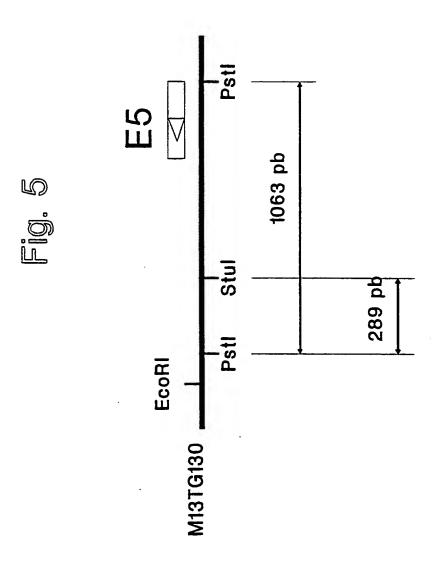


FEUILLE DE REMPLACEMENT

<u>FIG. 3</u>







0 FIG.

ATGACAAATCT TGATACTGCATCCACAACAT TACTGGCGTGCT T T T T GCT

50

TTGCTTTTGTGTGCTTTTGTGTGTCTGCCTATTAATACGTCCGCTGCTTT

100

TGTCTGTGTCTACATACACATCAT TAATACTAT TGGTAT TACTAT TGTGG

150

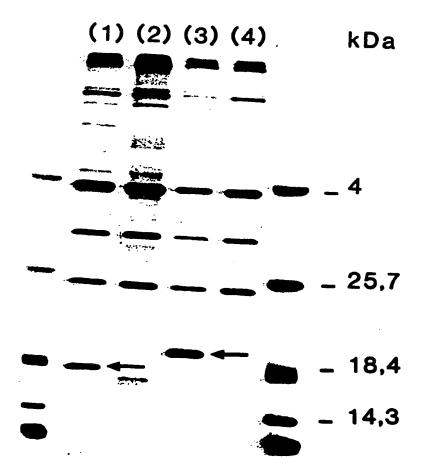
ATA ACAGCAGCCTCTGCGT T TAGGTGT T T TAT TGTATAT TGTAT T TGT

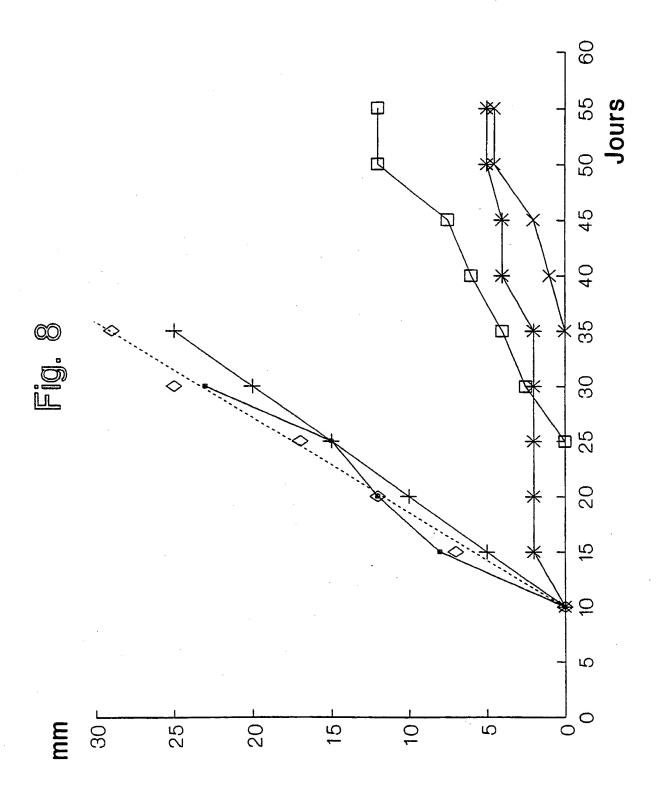
200

T TATATACCAT TAT T T T AATACATACACATGCACGCT T T T TAAT TACATAA

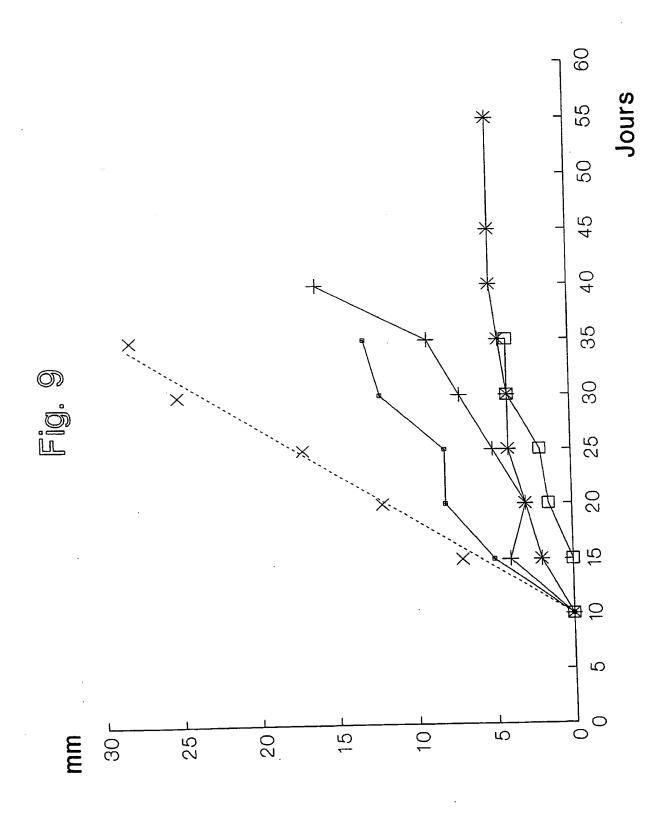
250

FIG. 7





FEUILLE DE REMPLACEMENT



FEUILLE DE REMPLACEMENT

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No PCT/FR 90/00151

		International Application No PCT/F	K 30/00131	
	IFICATION OF SUBJECT MATTER (if several classifi			
According	to International Patent Classification (IPC) or to both Natio			
Int.C	C1. 5 A 61 K 39/12, 39/285,//C 12	2N 15/37, C 12 N 15/86		
II. FIELDS	SEARCHED			
	Minimum Document	ation Searched 7		
Classificatio	on System C	Classification Symbols		
		· ·		
Int.C	C1.5 C 12 N, C 12 P			
	Documentation Searched other the	an Minimum Documentation are included in the Fields Searched *		
III. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT 9			
ategory *	Citation of Document, 11 with indication, where appre	opriate, of the relevant passages 12	Relevant to Claim No. 13	
Y	The Journal of General Virolo	oav. vol. 69.	1-8,10-14	
-	No. 6, June 1988 (SGM, GE			
	H.M. Browne et al.: "Anal			
Ì	the L1 gene product of h	uman		
	papillomavirus type 16 by			
	in a vaccinia virus reco	mbinant"		
	pages 1263-1273,			
:	see page 1266			
Y	The Embo Journal, vol. 7, No.	- 6	1-8,10-14	
1	June 1988, IRL PRESS Ltd			
	(Oxford, GB) A. Storey e	t al.:		
	"Comparison of the in vi			
ŀ	transforming activities			
	papillomavirus types"			
1	pages 1815-1820,			
i	see the whole article in	•		
	particular figure 1			
	(cited in the application)		,	
	•	·		
-	al categories of cited documents: 10	"T" later document published after or priority date and not in confi	the international filing dat	
	ument defining the general state of the art which is not sidered to be of particular relevance	cited to understand the princip invention	le or theory underlying th	
	lier document but published on or after the international	"X" document of particular relevan	ice; the claimed invention	
"L" doc	ument which may throw doubts on priority claim(s) or ch is cited to establish the publication date of another	involve an inventive step		
cita	tion or other special reason (as specified)	"Y" document of particular relevant cannot be considered to involve	an inventive step when th	
	rument referring to an oral disclosure, use, exhibition or er means	document is combined with one ments, such combination being in the act	obvious to a person skille	
	ument published prior to the international filing date but or than the priority date claimed	in the art. "&" document member of the same	patent family	
IV. CERT	IFICATION			
Date of the	e Actual Completion of the International Search	Date of Mailing of this International S	earch Report	
3 Ju	uy 1990 (03.07.90)	03 August 1990 (03.0	8.90)	
Internation	nal Searching Authority	Signature of Authorized Officer		
Euro	pean Patent Office			
EULO	bean Larent OTTICE	<u> </u>		

III. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT (CONTINUED FROM THE SECOND SHEET)			
Category *	Citation of Document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to Claim No	
A	Nature, vol. 3264, 30 April 1987 R. Lathe et al.: "Tumour prevention and rejection with recombinant vaccinia", pages 878-880, see the whole article	1-4, 10-15	
P,X	Journal of Cellular Biochemistry, Supp. 13C, 1989, UCLA Symposia on Molecular & Cellular Biology Symposium Papillomaviruses held from March, 11-18, 1989 G. Meneguzzi et al.: "Vaccination against papillomavirus-induced tumors using Vaccinia recombinants expressing non-structural proteins" see page 210, abstract 1223	1-15	
	•		
		·	

MICRO-OR	GANISMES
Feuille facultative relative au micro-organisme mentionné en page	24 , ligne 35 de la descripțion L
A. IDENTIFICATION DU DÉPOT :	
D'autres dépôts sont identifiés sur une feuille supplémentaire 3	×
Nom de l'institution de dépôt 4	-
INSTITUT PASTEUR	
Collection Nationale de Cultures de N	Microorganismes
Adresse de l'institution de dépôt (y compris le code postal et le pay	s) +
25 rue du Docteur Roux 75724 PARIS CEDEX 15	
FRANCE	
Date du dépôt 5	N° d'ordre ⁴
24 FEVRIER 1989	I-838
B. INDICATIONS SUPPLEMENTAIRES ! (à na ramplir que	ii nécessaire). Une feuille séparée est jointe pour la suite de ces
renseignements	
C. ÉTATS DÉSIGNÉS POUR LESQUELS LES INDICATIONS tous les États désignés)	SONT DONNÉES 3 (si les indications ne sont pas données pour
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
	·
D. INDICATIONS FOURNIES SEPARÉMENT : (à ne remplir q	ue si nécessaire)
Les indications énumérées ci-après seront soumises ultérieureme cations p. ex., « No d'ordre du dépôt »)	nt au Bureau international * (spécifier la nature générale des indi-
one production a district de depot sy	
E. La présente feuille a été reçue avec la demande internations	ale lorsque celle-ci a été déposée (à vérifier par l'office récepteur)
·	
	(Fonctionnaire autorisé)
Date de réception (en provenance du déposant) par le Burer	su international 10
07 MAY 1990	A Contract of the contract of
(07. 05. 90)	(Fonctionnaire autorisé)
(0 0)	

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

Demande internationale Nº PCT/FR 90/00151

I. CLASSEMENT DE L'INVENTION (si plusieurs symboles de classification sont applicables, les indiquer tous) 7			
	ssification internationale des brevets (CIB) ou à la fois se		
CIB ^{.5} : A	A 61 K 39/12, 39/285,//c12	N 15/37, C 12 N 15	/86
II. DOMAIN	NES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTÉ		
	Documentation min	imale consultée ⁸	
Système de	classification	Symboles de classification	
CIE ⁵	C 12 N, C 12 P		
	Documentation consultée sutre que la di où de tels documents font partie des dom		
III. DOCUM	IENTS CONSIDÉRÉS COMME PERTINENTS 19		
Catégorie *	Identification des documents cités, ¹¹ avec des passages pertine		Nº des revendications visées 13
Y	The Journal of General Vino. 6, juin 1988 (SGI H.M. Browne et al.: the L1 gene product of papillomavirus type in a vaccinia virus pages 1263-1273, voir page 1266	M, GB) "Analysis of of human 16 by expression	1-8,10-14
Y	The Embo Journal, vol. 7 juin 1988, IRL Press (Oxford, GB) A. Store "Comparison of the intransforming activity papillomavirus types pages 1815-1820, voir l'article en en particulier figure 1 (cité dans la demande)	Ltd ey et al.: n vitro ies of human	1-8,10-14
«A» doci con: «E» doci tion «L» doc prio autr «O» doci une «P» doci posi IV. CERTII Date à lagra	ument définissant l'état général de la technique, non sidéré comme particulièrement pertinent ument antérieur, mais publié à la date de dépôt internad ou après cette date ument pouvant jeter un doute sur une revendication de rité ou cité pour déterminer la date de publication d'une etité ou cité pour déterminer la date de publication d'une etitation ou pour une raison spéciale (telle qu'indiquée) ument se référant à une divulgation orale, à un usage, à exposition ou tous autres moyens ument publié avant la date de dépôt international, mais térieurement à la date de priorité revendiquée FICATION elle la recherche internationale a été effectivement juillet 1990	document ultérieur publié postér international ou à la date de pr à l'état de la technique pertinent, le principe ou la théorie constit a document particulièrement per quée ne peut être considérée c impliquant une activité inventive a document particulièrement pe diquée ne peut être considéré activité inventive lorsque le doc plusieurs autres documents de naison étant évidente pour une document qui fait partie de la m	iorité et n'appartenant pas mais cité pour comprendre uant la base de l'invention tinent: l'invention revendi- omme nouvelle ou comme rtinent; l'invention reven- les comme impliquant une ument est associé à un ou même nature, cette combi- parsonne du métier.
Administrat	tion chargée de la recherche internationale	Signature du fonctionnaire autorisé	Triort
OF	FICE EUROPEEN DES BREVETS	Mme N. KUIPER	And the same

(SUITE DES RENSEIGNEMENTS INDIQUÉS SUR LA DEUXIÈME FEUILLE)				
atégorie *	identification des documents cités, evec indication, si nécessairs, des passages partinents	Nº des revendications visées		
Ā	Nature, vol. 3264, 30 avril 1987, R. Lathe et al.: "Tumour prevention and rejection with recombinant vaccinia", pages 878-880, voir l'article en entier	1-4, 10-15		
P,X	Journal of Cellular Biochemistry, Suppl. 13C, 1989, UCLA Symposia on Molecular & Cellular Biology Symposium Papillomaviruses held from March, 11-18,1989	1-15		
	G. Meneguzzi et al.: "Vaccination against papillomavirus-induced tumors using Vaccinia recombinants expressing non-structural proteins" voir page 210, résumé 1223			
	•			
		-		
		·		
	·			
•				